

15日目：1要因分散分析（被験者間）

さて、本日は因子分析の結果から構成された下位尺度得点について、1要因分散分析を行ってみます。やろうとしていることですが、因子分析の結果から構成された下位尺度得点（**xx**に入っている、**to.f1**, **to.f2**, **to.f3**）に対して、専攻による差があるかどうかを1要因分散分析を用いて検定を行おうということです。

もちろん、まずはそれぞれの群別の平均値、標準偏差などを確認しておきます。検定をやってから、平均値を確認するのは順序が逆です！！

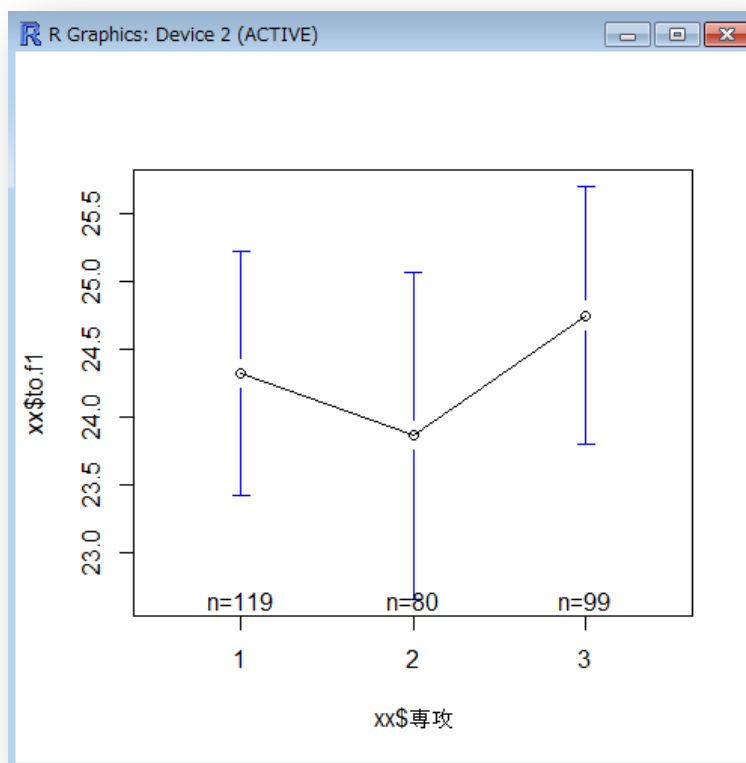
方法は、昨日もやった **describe.by** が便利でしょう。また箱ひげ図も描かせてみましょう。いずれも昨日の「性別」の部分で、「専攻」に変更すればOKです。

加えて、もう一つ、図を作成してみましよう。箱ひげ図もよいのですが、平均値や標準偏差が出てこないのが難といえれば難です。しかし、こんな図も作れます。

これは各群の平均値を折れ線でつなぎ、それぞれの平均値から1標準偏差分の幅も同時に示してられています。つまりこの図から、3群の重なりはかなり大きいであろうことが読み取れます。

このような図の作成は、**gplots** というパッケージを使いますので、まずはこれをとってきておく必要があります。ただし、このパッケージは複数の他のパッケージを同時に必要とするようで、**library(gplots)** などとしてロードしようとする、あのパッケージがない、このパッケージがないと、やたらと警告を出してきます。さらには、パッケージがより新しいバージョンのRにしか対応していないとかで、R本体もインストールすることに…。そんなこんなで警告されたパッケージを4つか5つかとってきておくと、やっとロードできるようになりました（私の場合だけ？）。

ロードできてしまうと後は簡単で、以下のように命令すれば描いてくれます。



plotmeans(xx\$to.f1 ~ xx\$専攻)

まずはこのようにして、データをざっと眺めてみましょう。

そしてdescribe.by出力結果を整理すると、右のような状況になります。このグループ間の差について検定をするわけです。

		group:1	group:2	group:3
to.f1	mean	24.32	23.86	24.75
	sd	4.94	5.41	4.75
	n	119	80	99
to.f2	mean	13.58	12.38	13.76
	sd	3.77	3.85	3.9
	n	118	80	99
to.f3	mean	7.58	8.3	8.51
	sd	2.96	3.38	3.29
	n	119	80	99

さて、この1要因分散分析にはいくつか留意点があります。まず一つ目ですが、独立変数をfactor型とよばれる形式にしておく必要があります。これをしておかないと、間違った計算結果を返してくるようです。

今回の独立変数は「専攻」ですが、これに対して…

```
xx$専攻 <- as.factor(xx$専攻)
```

これでfactor型に変更されます。

変数が現在どのような形式になっているかは、class()で確認することができます。

```
class(xx$専攻)
```

```
> class(xx$専攻)
[1] "factor"
```

factor型に変更されていたなら、Factorと出力されます。

間違った計算結果を出さないためにも、この変更と確認は大事です。

もう一つは、等分散の確認が重要になります。等分散性を仮定する場合と、仮定しない場合で使う命令が違ってくるので、まずはこれをチェックしておきます。

```
bartlett.test(to.f1 ~ 専攻, xx)
```

バートレット検定というものですが、等分散性の検定です。帰無仮説が「等分散である」なので、棄却されなければ等分散性を仮定する場合、棄却されたら等分散性を仮定しない場合となります。

結果は以下のように返されます。Bartlett's K-squaredは、 χ^2 統計量です。この結

果、**to.f1** は等分散性を仮定する方法でOKということになります。今回は、3つの下位尺度すべてで等分散を仮定する方法でOKです。

```
> bartlett.test(to.f1 ~ 専攻, xx)

      Bartlett test of homogeneity of variances

data:  to.f1 by 専攻
Bartlett's K-squared = 1.568, df = 2, p-value = 0.4566
```

Rには1要因分散分析を行う命令が3種類ほどあるようですが、今回は**aov**を使ってみます。使い方は以下のようです。カッコの中は、（従属変数「~」 独立変数「,」 データ）と並びます。

```
aov.f1 <- aov(to.f1 ~ 専攻, xx)
summary(aov.f1)
```

すると右のように結果が返されます。
F(2,295)=0.692, ns という結果ですね。

```
> aov.f1 <- aov(to.f1 ~ 専攻, xx)
> summary(aov.f1)
              Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
専攻              2      35    17.36   0.692  0.501
Residuals       295    7404    25.10
```

3つの下位尺度得点についてすべてやってみると、**to.f2** で5%水準の有意差が、**to.f3** で有意傾向が認められました。そこで**to.f2** についてテューキー法の多重比較を行ってみます。**TukeyHSD()**という形式になるのですが、カッコの中は先の**aov(to.f2 ~ 専攻, xx)**の結果を代入したもの (**aov.f2**) を入れます。もちろん、結果を導く **aov(to.f2 ~ 専攻, xx)**をそのまま入れてもOKです。

```
TukeyHSD(aov.f2)
```

もしくは

```
TukeyHSD(aov(to.f2 ~ 専攻, xx))
```

結果は右のようです。**group:2** と **group:3** の間に5%水準での有意差が認められています。

```
> TukeyHSD(aov(to.f2 ~ 専攻, xx))
Tukey multiple comparisons of means
 95% family-wise confidence level

Fit: aov(formula = to.f2 ~ 専攻, data = xx)

$専攻
      diff          lwr          upr         p adj
2-1 -1.209746 -2.5183410  0.09884951 0.0767118
3-1  0.172830 -1.0586575  1.40431751 0.9415471
3-2  1.382576  0.0241914  2.74096012 0.0449963
```

結果を簡単にまとめてしまえば、次の表のようになるでしょう。

		group:1	group:2	group:3	分散分析結果
to.f1	mean	24.32	23.86	24.75	ns
	sd	4.94	5.41	4.75	
	n	119	80	99	
to.f2	mean	13.58	12.38	13.76	*
	sd	3.77	3.85	3.9	2<3
	n	118	80	99	
to.f3	mean	7.58	8.3	8.51	ns
	sd	2.96	3.38	3.29	
	n	119	80	99	

* p<.05; * p<.01

等分散性を仮定しない場合や、シェッフエやボンフェローニといった多重比較もできますが、それはそれぞれで調べてください。

本日はここまでです。